# **PHÒNG MIỄN DỊCH HỌC**

*(Immunology Laboratory)*

**Công bố quốc tế**

1. Le Thi Kim Xuyen, Do Thi Roan, Doan Thi Thanh Huong, Nguyen Thi Khue, Pham Thi Khanh Linh, Le Thanh Hoa (2023) **Phylogenotyping of infectious bursal disease virus in Vietnam according to the newly unified** genotypic classification scheme. *Archives of* *Virology* 168(8): 201.
2. **Duong Thuy Yen,** Pham Thi Khanh Linh, Le Thi Kim Xuyen, Nguyen Thi Ngoc Tran, Nor SAM, Le Thanh Hoa (2023) **Complete mitogenomes of the Mekong river catfishes: genomic characteristics and implications for** pangasiid **generic** and species relationships **(Siluriformes: Pangasiidae). *Zoological Studies* 62: 48**.
3. Le Thanh Hoa, Nguyen Khue Thi, Pham Linh Thi Khanh, Doan Huong Thi Thanh, Do Roan Thi, Le Xuyen Thi Kim, Agatsuma Takeshi, Blair David (2023) Mitogenomic and nuclear ribosomal transcription unit datasets support the synonymy of *Paragonimus iloktsuenensis* and *P. ohirai* (Paragonimidae: Platyhelminthes). *Parasitology Research* 122(7): 1531–1544.
4. Duong Thuy Yen, Tran Nguyen Thi Ngoc, Dinh Tran Dac, Le Thanh Hoa, Nor Siti Aziza Mohd (2023) Multiple genetic lineages of anadromous migratory Mekong catfish *Pangasius krempfi* revealed by mtDNA control region and and Cytochrome b. *Ecology and Evolution* 13: e9845.
5. Doan Huong Thi Thanh, Do Roan Thi, Thao Pham Thi Phuong, Le Xuyen Thi Kim, Nguyen Khue Thi, Hien Nguyen Thi Thu, Duc Luu Minh, Pham Linh Thi Khanh, Le Thanh Hoa (2022) Molecular genotypic analyses of porcine circovirus type 2 revealed the predominance of PCV2d in Vietnam (2018–2020) and the association between PCV2h, the recombinant forms, and Vietnamese vaccines. *Archives of Virology* 167(10): 2011–2026.
6. Bui Thi Thuy Duong, Pham Thi Phuong Thao, Nguyen Thi Hoa, Ha Thi Thu, Man Hong Phuoc, Le Thanh Hoa, Dong Van Quyen (2022) Molecular analysis reveals a distinct subgenogroup of porcine epidemic diarrhea virus (PEDV) in Northern Vietnam in 2018–2019. *Archives of Virology* 167(11): 2337–2346.
7. Pham Khanh Linh Thi, Saijuntha Weerachai, Lawton Scott P and Le Thanh Hoa (2022) Mitophylogenomics of the zoonotic fluke *Echinostoma malayanum* confirms it as a member of the genus Artyfechinostomum Lane, 1915 and illustrates the complexity of Echinostomatidae systematics. *Parasitology Research* 121(3): 899–913.
8. Le Thanh Hoa, Nguyen Thi Khue, Pham Thi Khanh Linh, Doan Thi Thanh Huong, Takeshi Agatsuma, David Blair (2022) The complete mitogenome of the Asian lung fluke *Paragonimus skrjabini miyazakii* and its implications for the family Paragonimidae (Trematoda: Platyhelminthes). *Parasitology* 149(13): 1709–1719.
9. Doan Thi Thanh Huong, Le Thi Kim Xuyen, Do Roan Thi, Nguyen Thi Khue, and Le Thanh Hoa (2021) Canine parvovirus type 2c in Vietnam continues to produce distinct descendants with new mutations restricted to the Vietnamese variants. *Archives of Virology* 166: 1741–1749.
10. Le Thanh Hoa, Pham Linh Thi Khanh, Doan Huong Thi Thanh, Le Xuyen Thi Kim, Saijuntha Weerachai, Rajapakse RPVJ, Lawton Scott P (2020). Comparative mitogenomics of the zoonotic parasite *Echinostoma revolutum* resolves taxonomic relationships within the “*E. revolutum*” species group and the Echinostmata (Platyhelminthes: Digenea). *Parasitology*, 146(10): 1247–1255.
11. Rajapakse RPVJ, Pham Khanh Linh Thi, Karunathilake KJK, Lawton Scott P and Le Thanh Hoa (2020). Characterization and phylogenetic properties of the complete mitochondrial genome of *Fascioloides jacksoni* (syn. *Fasciola jacksoni*) support the suggested intergeneric change from Fasciola to Fascioloides (Platyhelminthes: Trematoda: Plagiorchiida). *Infection, Genetics and Evolution* 82: 104281.
12. Le Thanh Hoa, Pham Khanh Linh Thi, Doan Huong Thi Thanh, Le Thi Kim Xuyen, Nguyen Khue Thi, Lawton Scott P (2020) Description and phylogenetic analyses of ribosomal transcription units from species of Fasciolidae (Platyhelminthes: Digenea). *Journal of Helminthology* 94: e136, 1-6.
13. Rosa BA, Choi YJ, McNulty S, Jung H, Martin J, Agatsuma T, Sugiyama H, Le Thanh Hoa, Doanh PN, Maleewong W, Blair D, Brindley PJ, Fischer PU, Mitreva M (2020) Comparative genomics and transcriptomics of 4 *Paragonimus* species provide insights into lung fluke parasitism and pathogenesis. *Gigascience* 9(7): giaa073.
14. Amarasinghe A, Le Thanh Hoa, Wickramasinghe S (2020). Emerging *Bertiella studeri* infection in children, Sri Lanka. *Emerging Infectious Diseases* 26(8):1889–1892.
15. Hoang Hang Thi Thu, Chi Hung Nguyen, Ngan Thi Thuy Nguyen, An Dang Pham, Hang Thi Thu Nguyen, Thanh Hoa Le, Hanh Xuan Tran, Ha Hoang Chu, and Nam Trung Nguyen (2020). Immunization with the H5N1 Recombinant Vaccine Candidate Induces High Protection in Chickens against Vietnamese Highly Pathogenic Avian Influenza Virus Strains. *Vaccines* 8(2): 159.
16. De Nguyen Van, Le Thanh Hoa, Agramunt VH, MasComa S (2020). Early Postnatal and Preschool-Age Infection by *Fasciola spp*.: Report of Five Cases from Vietnam and Worldwide Review. *American Journal of Tropical Medicine and Hygiene* 103(4): 1578–1589.
17. Rajapakse RPVJ, Lawton ScottP, Karunathilake KJK, Perera BVP, Nguyen Nga Thi Bich, Le Thanh Hoa (2019). Molecular characterization of *Fasciola jacksoni* from wild elephants (Elephas maximus maximus) of Sri Lanka; a taxonomic evaluation. *Parasitology* 146(10): 1247–1255.
18. Le Thanh Hoa, Nguyen Khue Thi, Nguyen Nga Thi Bich, Doan Huong Thi Thanh, Agatsuma Takeshi, Blair David (2019). The complete mitochondrial genome of *Paragonimus ohirai* (Paragonimidae: Trematoda: Platyhelminthes) and comparison with its *Paragonimus westermani* congeners and other trematodes. *PEERJ* 7: e7031.
19. Le Xuyen Thi Kim, Doan Huong Thi Thanh, Do Roan Thi, Le Thanh Hoa (2019). Molecular characterization of field infectious bursal disease viruses during three decades, 1987-2018, revealed a distinct genotypic sub-group in Vietnam. *Archives of Virology* 164(8): 2137–2145.
20. Choi Young Jun, Fontenla Santiago, Fischer Peter U, Le Thanh Hoa, Costábile Alicia, Blair David, Brindley PaulJ, Tort Jose F, Cabada Miguel M, Mitreva Makedona (2019). Adaptive radiation of the flukes of the family Fasciolidae inferred from genome-wide comparisons of key species. *Molecular Biology and Evolution* 37(1): 84–99.
21. Le Thanh Hoa, Nguyen Khue Thi, Nguyen Nga Thi Bich, Doan Huong Thi Thanh, Dung Do Trung, Blair David (2017). The ribosomal transcription units of *Haplorchis pumilio* and *H. taichui* and the use of 28S rDNA sequences for phylogenetic identification of common heterophyids in Vietnam. *Parasites & Vectors*, 10:17.
22. Doan Huong Thi Thanh, Le Xuyen Thi Kim, Do Roan Thi, Nguyen Khue Thi, and Le Thanh Hoa (2017). Sequencing and phylogenetic analysis reveal the prevalence of duck hepatitis A virus genotype 3 in Vietnam. *Kafkas Univ Vet Fak Derg*. 23(3):369-376.
23. Le Thanh Hoa, Anh Nguyen Thi Lan, Nguyen Thi Khue, Nguyen Thi Bich Nga, Thuy Do Thi Thu, Gasser Robin B (2016). *Toxocara malaysiensis* infection in domestic cats in Vietnam – an emerging zoonotic issue? *Infection Genetics and Evolution*. 37: 94-98.
24. Le Thanh Hoa, Nguyen Thi Bich Nga, Nguyen Khue Thi, Doan Huong Thi Thanh, Dung Do Trung, Blair David (2016). A complete mitochondrial genome from *Echinochasmus japonicus* supports the elevation of Echinochasminae Odhner, 1910 to family rank (Trematoda: Platyhelminthes). *Infection Genetics and Evolution* 45:369–377.
25. Doan Huong Thi Thanh, Le Xuyen Thi Kim, Do Roan Thi, Hoang Chau Thi Minh, Nguyen Khue Thi and Le Thanh Hoa (2015). Molecular genotyping of the Duck Hepatitis A Viruses (DHAV) in Vietnam. *Journal of Infection in Developing Countries* 10: 988-995.
26. Tran Anh Le, Thuat Thang Vi, Khac Luc Nguyen, Thanh Hoa Le (2015) A Rare Human Case of *Dirofilaria repens* Infection in the Subcutaneous Posterior Thorax with Molecular Identification. *The Korean Journal of Parasitology* 53(3): 329-333.

**Công bố trong nước**

1. Pham Thi Khanh Linh, Nguyen Thi Khue, Doan Thi Thanh Huong, Le Thanh Hoa (2022). Characteristics of the nucleotide composition and de novo structure of 28S rRNA gene of intestinal flukes (Echinostomatidae) and genetic distance among species (suborder Echinostomata). *Vietnam Journal of Biotechnology* 20(1): 15–23.
2. Le Thanh Hoa, Pham Thi Khanh Linh, Nguyen Thi Khue, Do Thi Roan, Le Thi Kim Xuyen, Doan Thi Thanh Huong (2022) Genetic distance and phylogenetic relationships of some Echinostoma species (*E. malayanum*, *E. revolutum*, *E. miyagawai*) and *Hypoderaeum conoideum* (family Echinostomatidae) inferred from partial 28S rDNA sequence analysis. *Vietnam Journal of Biotechnology* 20(2): 253–263.
3. Nguyen Thi Khue, Pham Thi Khanh Linh, Do Thi Roan, Doan Thi Thanh Huong, Pham Ngoc Doanh, Le Thanh Hoa (2021) Molecular evolutionary relationships of Vietnamese and global pulmonary Paragonimus species in the family Paragonimidae and suborder Xiphidiata (Platyhelminthes: Trematoda). *Vietnam Journal of Biotechnology* 18(4): 653–662.
4. Lê Thị Việt Hà, Nguyễn Thị Khuê, Đồng Văn Quyền, Lê Thanh Hòa (2021). Đặc điểm hệ gen ty thể của các chủng sán lá ruột nhỏ *Haplorchis taichui* và so sánh với *Metagonimus yokogawai* (Trematoda: Heterophyidae). *Tạp chí Công nghệ Sinh học* 19(1): 69–54.
5. Le Thi Viet Ha, Nguyen Thi Khue, Dong Van Quyen, Thanh Hoa Le (2020) Phylogenetic analyses of ribosomal transcription units from Haplorchis taichui and H. pumilio species of Heterophyidae (Platyhelminthes: Opisthorchiata). *Vietnam Journal of Biotechnology* 18(4): 643–652.
6. Nguyen Thi Khue, Pham Thi Khanh Linh, Do Thi Roan, Doan Thi Thanh Huong, Pham Ngoc Doanh, Le Thanh Hoa (2020) Molecular evolutionary relationships of Vietnamese and global pulmonary Paragonimus species in the family Paragonimidae and suborder Xiphidiata (Platyhelminthes: Trematoda). *Vietnam Journal of Biotechnology* 18(4): 653–662.
7. Bùi Anh Thy, Lê Thanh Hoà, Trần Xuân Hạnh, Trần Linh Thước (2020). Phân tích biến đổi gen của chủng vi rút gây bệnh tai xanh (PRRSV) qua quá trình tiếp truyền trên tế bào từ chủng vi rút thực địa. *Tạp chí Phát triển Khoa học và Công nghệ* – Khoa học Tự nhiên, 4(4): 857–867.
8. Lê Thanh Hòa, Nguyễn Thị Bích Nga, Đoàn Thị Thanh Hương, Đỗ Thị Roan, Lê Thị Kim Xuyến, Nguyễn Thị Khuê, Nguyễn Trung Nam, Chu Hoàng Hà (2019). Đặc điểm phân tử của virus cúm A/H5N6 lưu hành ở Việt Nam giai đoạn 2014-2017. *Tạp chí Công nghệ Sinh học* 17(1): 147-156.
9. Lê Thị Việt Hà, Nguyễn Thị Khuê, Đồng Văn Quyền, Lê Thanh Hòa (2019). Khoảng cách di truyền và tương quan phả hệ của sán lá ruột nhỏ (họ Heterophyidae) ở Việt Nam. *Tạp chí Công nghệ Sinh học*, 17(1): 59-66.
10. Lê Thanh Hoà, Nguyễn Thị Bích Nga, Đoàn Thị Thanh Hương, Lê Thị Kim Xuyến, Nguyễn Thị Khuê (2019). Cấu trúc và đặc điểm gen của đơn vị sao chép ribosome của sán lá gan nhỏ *Opisthorchis viverrini, O. felineus và Clonorchis sinensis*. *Tạp chí Công nghệ Sinh học,* 17(3): 561-567.
11. Lê Thị Kim Xuyến, Nguyễn Thị Cẩm Loan, Trần Ngọc Bích, Đoàn Thị Thanh Hương, Lê Thanh Hòa (2019). Xác định phân nhóm virus gây bệnh viêm phế quản truyền nhiễm trên gà năm 2018 ở Đồng bằng sông Cửu Long. *Tạp chí Khoa học Kỹ thuật Thú y*, 26(5): 5-13.
12. Nguyen Thi Khue, Doan Thi Thanh Huong, Le Thanh Hoa (2018). Genetic and phylogenetic analyses of P*aragonimus* spp. (Paragonimidae: Trematoda) for taxonomic relationship using mitochondrial *cox1* marker. *Vietnam Journal of Infectious Diseases*. 03(23):120-125.
13. Le Thi Viet Ha, Nguyen Thi Khue, Dong Van Quyen, Le Thanh Hoa (2018). Taxonomic classification of *Stellantchasmus falcatus* and *Haplorchis taichui* (Heterophyidae) in Vietnam based on genitic distance and phylogenetic anlyses. *Vietnam Journal of Infectious Diseases*. 03(23):92-98.
14. Đoàn Thị Thanh Hương, Nguyễn Thị Khuê, Đỗ Thị Roan, Lê Thị Kim Xuyến, Lê Thanh Hòa (2018). Phát hiện parvovirus type 2c trên chó ở Hà Nội năm 2017 bằng phương pháp sinh học phân tư. Hội nghị Khoa học – Công nghệ Thú y năm 2018. 53-60.
15. Đoàn Thị Thanh Hương, Nguyễn Thị Khuê, Đỗ Thị Roan, Nguyễn Ngọc Trâm, Lê Thị Kim Xuyến, Nguyễn Thị Bích Nga, Lê Thanh Hòa (2018). Đặc điểm phân tử và phả hệ nguồn gôc virus gây bệnh carre (Canine distemper virus) phân lập năm 2017 tại Hà Nội. Hội nghị khoa học công nghệ sinh học toàn quốc năm 2018. Nhà xuất bản khoa học tự nhiên và công nghệ. 1705-1711.
16. Lê Thanh Hòa, Đỗ Thị Roan, Nguyễn Thị Khuê, Đoàn Thị Thanh Hương, Nguyễn Thị Bích Nga (2017). Xác định genotype, phả hệ và đặc điểm dịch tễ học phân tử của một số chủng virus gây hội chứng rồi loạn sinh sản và hô hấp ở lợn (PRRSV) giai đoạn 2008-2011 ở Việt Nam. *Tạp chí công nghệ sinh học*. 1(1):1-8.
17. Lê Thanh Hòa, Nguyễn Thị Khuê, Nguyễn Thị Bích Nga, Đỗ Thị Roan, Đỗ Trung Dũng, Lê Thị Kim Xuyến, Đoàn Thị Thanh Hương (2016). Xác định cấu trúc và đặc điểm gen học hệ gen ty thể của sán lá ruột nhỏ *Haplorchis taichui* (Trematoda: Heterophyidae), mẫu Việt Nam. *Tạp chí Công nghệ Sinh học* 14(2): 215-224.
18. Đoàn Thị Thanh Hương, Tạ Hoàng Long, Đỗ Thị Roan, Lê Thị Kim Xuyến, Nguyễn Thị Khuê và Lê Thanh Hòa (2016). Giải mã và phân tích đặc điểm gen UL5 của virus dịch tả vịt Việt Nam. *Tạp chí Khoa học Kỹ thuật thú y* 23(1): 5-10.
19. Lê Thanh Hòa, Nguyễn Thị Khuê, Nguyễn Thị Bích Nga, Đỗ Thị Thu Thúy, Nguyễn Thị Lan Anh (2016). Xác định bệnh giun đũa mèo (toxocariasis) ở Việt Nam do loài mới *Toxocara malaysiensis* gây ra, bằng phương pháp so sánh chuỗi gen và phân tích phả hệ. *Tạp chí Khoa học và Phát triển*. 14(1): 54-62.
20. Nguyễn Thị Lan Anh, Đỗ Thị Thúy, Nguyễn Thị Khuê, Nguyễn Thị Bích Nga, Lê Thanh Hòa (2016). Giám định loài giun dũa chó *Toxocara canis* ở Việt Nam bằng phương pháp sinh học phân tử. *Tạp chí Khoa học Kỹ thuật Thú y*. 8: 56-63.
21. Nguyễn Thị Khuê, Đỗ Trung Dũng và Lê Thanh Hòa (2015). Phân tích tương đồng gen ty thể *cox*1 và thẩm định loài sán lá ruột nhỏ *Haplorchis taichui và H. pumilio* (Platyhelminthes: Trematoda: Heterophyidae) thu thập ở các tỉnh phía bắc Việt Nam. Nhà xuất bản Khoa học tự nhiên và Công nghệ: 64-71.
22. Lê Thị Việt Hà, Nguyễn Thị Khuê, Nguyễn Thị Bích Nga, Đoàn Thị Thanh Hương, Đỗ Trung Dũng, Đồng Văn Quyền, Lê Thanh Hòa (2015). Đặc điểm gen học và phân loại của các loài sán lá ruột nhỏ (*Haplorchis pumilio; H. taichui; Stellantchasmus falcatus*) thuộc họ Heterophyidae thu thập trên người tại Việt Nam. *Tạp chí Khoa học-Đại học Quốc gia Hà Nội*. 31(4S):63-71.
23. Đỗ Thị Roan, Đoàn Thị Thanh Hương, Lê Thị Kim Xuyến, Nguyễn Thị Khuê, Vũ Thị Tiến và Lê Thanh Hòa (2015). Phân tích đặc tính phân tử của virus viêm gan vịt genotype 3 (DHAV-3) phân lập tại Việt Nam từ 2009-2013. *Tạp chí Sinh học*. 37: 274-278.
24. Nguyễn Thị Khuê, Lê Thanh Hòa (2014). Giám định sán lá ruột nhỏ *Haplorchis taichui* và *H. pumilio* ở các tỉnh phía Bắc Việt Nam bằng chỉ thị gen ty thể *cox1. Tạp chí khoa học kỹ thuật Thú y,* 21(5): 48-53.
25. Nguyễn Thị Bích Nga, Nguyễn Thị Khuê, Đỗ Thị Roan, Hoàng Thị Minh Châu và Lê Thanh Hòa (2014). Phân tích mối quan hệ về loài của sán lá gan lớn (Fasciola spp) trong họ Fasciolidae ở người và động vật tại Việt nam trên cơ sở gen 28S ribosome. *Tạp chí Y học Việt Nam*. 421:49-53.
26. Nguyễn Thị Khuê, Đỗ Thị Roan, Hoàng Thị Minh Châu, Lê Thanh Hòa (2013). Xây dựng và thử nghiệm kit duplex-PCR phân biệt hai loài sán lá phổi *P. heterotremus* và *P. ohirai* ở châu Á. *Tạp chí Y học Việt Nam*, 410(2): 18-23.